Bacillus cereus 由来 Oligo-1,6-glucosidase の 塩化物イオン依存型への改変

応用分子生物学講座 分子酵素学分野 寺田 智明

(背景と目的) 糖質加水分解酵素は一次構造の類似性から glycoside hydrolase (GH) family に分類される. Bacillus cereus 由来 oligo-1,6-glucosidase (O16G) を含め, GH family 13 に属する多くの酵素は塩化物イオン (Cl⁻) 非依存型であり, 活性に Cl⁻ を必要としない. しかし, ブタ膵臓 α-amylase (PPA) など, GH family 13 に属する一部の酵素は Cl⁻ 依存型であり, 活性の発現に Cl⁻ を必須とする. これら Cl⁻ 依存型酵素において, Cl⁻ は活性中心近傍の R195, N298 および R337 (PPA のアミノ酸番号) により保持される. これらのうち, R337 に相当する塩基性アミノ酸残基が Cl⁻ 依存性の発現に重要であるとされている. このように, Cl⁻ 依存性に重要なアミノ酸残基が推定されているにも関わらず, これまでに非依存型酵素の Cl⁻ 依存型への改変は成功していない. このことは Cl⁻ 依存性に他の必要要因が存在することを示唆する.本研究では, Cl⁻ 非依存型酵素である O16G に部位特異的変異を導入し, Cl⁻ 依存型に改変した. また, 改変酵素の酵素化学的性質に与える Cl⁻ の影響を解析した.

(方法と結果) Cl 依存型酵素と非依存型酵素のアミノ酸配列の比較から、Cl 結合部位近傍に存在する His, Gln および Arg が Cl 依存性の発現に重要であると推測した. これらのアミノ酸を O16G の該当部位に導入した変異体 (Q13H, W49Q, Y363R およびこれらを組み合わせた変異体)を作製し、NaCl 濃度の反応速度に与える影響を解析した. Y363R 変異を含む変異体は NaCl 非存在下で野生型比 0.2%以下の活性を示した. しかし、NaCl 濃度依存的に活性が増加し、最大で NaCl 非存在下の 50-360 倍に達した. このことから、O16G の Cl 依存型への改変には Y363R の導入が必須であることが示された. また、Y363R 変異を含む変異体の中で三重変異体 (Q13H/W49Q/Y363R) は最大の活性を示し、かつ低濃度の NaCl (600 mM) で活性の増加が飽和した. この結果から、Q13H および W49Q の導入は、より低い Cl 濃度で高い活性を示すために重要であることが示された. 三重変異体において、Arg363 は Cl との結合に直接関与し、His13 および Gln49 は Arg363 側鎖を Cl 結合に適した向きに配向させる機能を持つと考察した.

三重変異体の各種塩濃度依存性を解析した。三重変異体は KCl により NaCl と同程度に活性化されたことから,陰イオンによる活性化が示された。また,既報の Cl 依存型 α -amylase と同様に,様々な陰イオン (Br^-, Γ, NO_3^-) および N_3^-)により異なる度合いで活性化された(陰イオン非存在下の 8.1-160 倍)。これらの陰イオンは Cl と同じ空間位置に保持され,酵素を活性化すると推察した。

 $C\Gamma$ 依存型酵素の $C\Gamma$ 活性化機構に関する反応速度式を導き、実験値が理論式に従うかを解析した。三重変異体の各基質濃度および各 $C\Gamma$ 濃度における反応速度は理論式に良好に回帰し、本活性化モデルが理論的に支持された。得られた速度パラメーターから、三重変異体の pNPG に対する特異性 (k_{cat}/K_m) は $C\Gamma$ 結合により 650 倍に増加することが示された。